

Programm Mittwoch, den 15.09.2010

Zeit	Session A (Hörsaal 3)	Session B (Hörsaal 2)	Session C (Hörsaal 1)	Session D (Hörsaal 4)
09:00	<p>Eröffnung Dr. Ernst-Jürgen Lode, Präsident der DGfZ Prof. Dr. Georg Erhardt, Vorsitzender der GfT Prof. Dr. Georg Thaller, lokaler Veranstalter</p> <p>Grußworte Ernst-Wilhelm Rabius, Staatssekretär im Ministerium für Landwirtschaft, Umwelt und ländliche Räume S-H Prof. Dr. Karin Schwarz, Dekanin der Agrar- und Ernährungswissenschaftlichen Fakultät Auszeichnung der DGfZ-PreisträgerInnen 2010</p>			
Moderation	Dr. F. Ytournel, GAG Göttingen	Dr. F. Seefried, VIT Verden	Dr. G. Lühken, JLU Gießen	Dr. J. Tetens CAU Kiel
09:40	PreisträgerIn 1	C. Edel, R. Emmerling, K.-U. Götz B01 TzGrub Genomische Selektion beim Fleckvieh	S. Altmann, E. Murani, M. Schwerin, C.C. Metges, K. Wimmers, S. Ponsuksili C01 FBN Untersuchungen zum Einfluß der maternalen Proteinernährung während der Gestation auf Genexpression und DNA-Methylierung in den Nachkommen beim Schwein	J. Mayer, V. Purwins, J. Beck, E. Schütz, B. Brenig D01 DNwGö-Molbio Entwicklung molekularer Marker zur Trächtigkeitsfrühdagnose beim Rind
10:00	PreisträgerIn 2	M. Erbe, H. Simianer B02 DNwGö-Tz Einfluss der Alters- und Verwandtschaftsstruktur auf die genomische Zuchtwertschätzung	A.Gad, U. Besenfelder, V. Havlicek, M. Hölker, M. U. Cinar, F. Rings, I. Dufort, MA. Sirard, K. Schellander, D. Tesfaye C02 ITW Transcriptome profile of in vitro matured and fertilized embryos cultured until blastocyst stage in bovine oviduct before and after major embryonic genome activation	D. Marthold, J. Detterer, M. Gaulty, W. Holtz D02 DNwGö-PsN Die Trächtigkeitsdiagnose beim Rind - ein Methodenvergleich
10:20	J. Brosig, I. Traulsen, J. Krieter A01 TzKi Alternative Strategien zur Bekämpfung der Klassischen Schweinepest	V. Börner, N. Reinsch B03 FBN Optimierung von mehrstufigen Zuchtprogrammen mit genomischer Selektion	M.M. Hossain, D. Tesfaye, M. Pröll, U. Cinar, F. Rings, E. Tholen, K. Schellander, M. Hölker C03 ITW Massive deregulation of miRNA in Day-50 bovine placenta derived from SCNT pregnancy	A. Hollmann, U. Margan, M. Scharfenstein, B. Brenig, C. Knorr D03 DNwGö-Repro Durchführung einer Feldstudie zur Prävalenz des bovinen Freemartinismus
10:40	S. Krostitz, R. Fischer, S. Pache, S. Walther, U. Bergfeld A02 LfULG Erarbeitung von Managementhilfen zur Früherkennung von Fruchtbarkeitsstörungen und Eutererkrankungen beim Milchrind	R. Wellmann, J. Bennewitz B04 Tz-Ho Utilization of dominance effects for genome wide evaluation	M. Pröll, D. Tesfaye, M.M. Hossain, M.U. Cinar, M. Hölker, E. Tholen, C. Looft, K. Schellander C04 ITW Expressionsanalyse von miRNA-Prozessgenen in Rinderplazenten am Tag 50 der Trächtigkeit aus klonierten, künstlich besamten und in vitro erzeugten Embryonen	S. Ammer, H.-J. Voss, W. Holtz, S. König, C. Knorr D04 DNwGö-Repro Analyse der Praxistauglichkeit des Somaticcell-Tests zur Zellzahlbestimmung in der Milch
11:00	S. Reith, S. Hoy A03 TzJLU Seriell erfasste Aktivität, Wiederkauaktivität und Lebendmasse zur Brunsterkennung bei Kühen	J. Chen, M. Erbe, F. Ytournel, H. Simianer B05 DNwGö-Tz Contribution of Mendelian Sampling Terms to Genomic Breeding Value	D. Worku, M. Hoelker, F. Rings, M. Drillich, W. Heuwieser, M.U. Cinar, C. Looft, E. Tholen, K. Schellander, D. Tesfaye C05 ITW Detection of uterine miRNA and related molecular networks and pathways underlying bovine subclinical endometritis	G. Kern, I. Traulsen, N. Kemper, J. Krieter D05 TzKi Bedeutung von Zellzahl und Bakterien für die Eutergesundheit beim Schaf
11:20	N. Bergk, B. Rudolphi, H. H. Swalve A04 TzHa Einflussfaktoren auf Wachstum und Entwicklung der Jungrinder	A. Haberland, F. Ytournel, H. Luther, H. Simianer B06 DNwGö-Tz Evaluierung von genomischen Selektionsstrategien in der Schweinezucht am Beispiel des Schweizer Endstufenebers PREMIO®	M. Diederich, J. Heinzmann, W. Kues, D. Herrmann, M. Streeck, R. Reinhardt, T. Haaf, H. Niemann C06 NgFLI Untersuchungen zur epigenetischen Modulation entwicklungsrelevanter Gene in präpuberalen und adulten bovinen Oozyten	H. Helmers, G. Lühken, G. Erhardt D06 TzJLU Identifizierung von Sequenzvarianten in funktionellen Kandidatengenen für Empfänglichkeit gegenüber Moderhinke
11:40	G.Knutzen, H. Scholz, B. Fischer, M. Wähler A05 HS-Anh Einflussfaktoren auf die Qualität der Kolostralmilch von Milchkühen der Rasse Holstein Friesian und deren Kreuzungen	U. Geuder B07 TzGrub Einführung der kombinierten Zuchtwertschätzung Süddeutsches Kaltblut in die Praxis	J. Heinzmann, T.Hansmann, C. Wrenzycki, U. Zechner, T. Haaf, H. Niemann C07 NgFLI Einfluss verschiedener Reifungsbedingungen auf Methylierung und Genexpression in bovinen Eizellen	D. Schiefen, G. Lühken, M. Gaulty, G. Erhardt D07 TzJLU Histologische Untersuchungen am Klauenhorn bei Merinolandschafen als Basis für die Einschätzung der Moderhinkeempfänglichkeit
12:00	Mittagspause	Mittagspause	Mittagspause	Mittagspause

Programm Mittwoch, den 15.09.2010 (Fortsetzung)

Zeit	Session A (Hörsaal 3)	Session B (Hörsaal 2)	Session C (Hörsaal 1)	Session D (Hörsaal 4)
Moderation	Dr. I. Traulsen, CAU Kiel	Dr. C. Edel, LfL Grub	Dr. M. Mayer, FBN Dummerstorf	Dr. S. Mömke, TiHo Hannover
13:00	P.Graf, U. König von Borstel, M. Gauly A06 DNwGö-PsN Verhaltenstest zur Interieurbeurteilung beim Pferd	C. Gärke, F. Ytournal, S. Weigend, H. Simianer B08 DNwGö-Tz Differenzierungseffizienz von SNPs und Mikrosatelliten zur Beurteilung der phylogenetischen Struktur	D. Zimmer, M. Mayer, N. Reinsch C08 FBN Ein effizientes zufälliges Modell mit epistatischen Effekten für die QTL-Kartierung in Linienkreuzungen	D.Becker, B. Kessler, E. Kemter, J. Tetens, K. Jurina, K. H. Jäderlund, A. Flagstad, M. Perloski, K. Lindblad-Toh, K. Matiasek, C. Drögemüller D08 GeBern Homozygotiekartierung zur Aufklärung eines rezessiv vererbten Erbfehlers beim Greyhound
13:20	L. Kruse, J. Salau, J. Krieter A07 TzKi Untersuchungen zur Gliedmaßenbelastung von Sportpferden auf unterschiedlichen Reitböden	R. Charoensook, B. Brenig, K. Gatphayak, C. Knorr B09 DNwGö-Molbio Thai indigenous pigs - the missing link to resolve the porcine phylogeny in East Asia	M. Neuditschko, J. Maxa, I. Russ, M. Förster, I. Medugorac C09 TzLMU Das Potential der sozialen Netzwerktheorie für die Erfassung von genomweiten Populationsstrukturen	L. Fels, A. Wöhlke, U. Philipp, Y. Marschall, K. F. Stock, B. Tellhelm, O. Distl D09 TzTiHo Molekulargenetische Aufklärung von Hüftgelenk- und Ellbogengelenkdysplasie beim Hund
13:40	C. Münch, A. Chrobok, H. Wiesmann, V. Baltus, M. Gauly A08 DNwGö-PsN Einfluss unterschiedlicher Wachstumsintensitäten auf den Zeitpunkt des Epiphysenfugenschlusses beim Pferd	C. Kehr, H.H. Swalve, M. Klunker, R. Fischer, E. Groeneveld B10 NgFLI Vergleich verschiedener Schätzmethoden zur Berechnung der effektiven Populationsgröße N_e	S. Rothhammer, D. Seichter, M. Förster, I. Medugorac C10 TzLMU Genomweite Kartierung positiver Selektion beim Rind	A. Franz, A. Wöhlke, O. Distl D10 TzTiHo Prävalenz der Hüftgelenkdysplasie (HD) hinsichtlich Widerristhöhe, Körpergewicht, BMI und FCI-Gruppen-Zugehörigkeit beim Hund
14:00	DGFZ Jahrestagung Vortragsblock I (siehe Rahmenprogramm)			
15:15	Kaffeepause	Kaffeepause	Kaffeepause	Kaffeepause
Moderation		Dr. C. Edel, LfL Grub	Dr. M. Mayer, FBN Dummerstorf	Dr. S. Mömke, TiHo Hannover
15:30	DGFZ Jahrestagung Vortragsblock II (siehe Rahmenprogramm)	M. Paustian, K. Brügemann, U. König v. Borstel, T. Dohms, S. König B11 DNwGö-Tz Varianzkomponentenschätzung für Vielseitigkeitsprüfungen beim Deutschen Reitpferd	C. Rückert, J. Bennewitz C11 Tz-Ho About the need for a joint analysis of connected QTL experiments	M. Adler, E. Murani, R. Brunner, S. Ponsuksili, K. Wimmers D11 FBN Transkriptomanalyse porziner PBMC nach Vakzination mit Tetanus-Toxoid als Modellantigen
15:50		F. Sitzenstock, F. Ytournal, H. Simianer B12 DNwGö-Tz Zuchtplanung zur Spezialisierung in der Reitpferdezucht	J. Maxa, M. Neuditschko, M. Förster, I. Medugorac C12 TzLMU Genome-wide association study of milk production traits in Braunvieh cattle	A.A. Gabr, Kh. El. Sherif, A. F. Na-Eam D12 ManU Utilization of dried distillers grains with solubles in growing rabbit diets
16:10		A. Becker, K.F. Stock, O. Distl B13 TzTiHo Populationsgenetische Analysen zu detaillierten Bewegungsbeurteilungen bei Stuten und Fohlen	H. Pausch, K. Fliskowski, S. Jung, J. Tetens, R. Emmerling, C. Edel, K.-U. Götz, G. Thaller, R. Fries C13 TzTUM Genomweite Assoziationsstudie identifiziert zwei QTL für den paternalen Kalbeverlauf beim Fleckvieh	J. Schumann, K. Reiter, K. Damme D13 ThGrub Klinische und Ethologische Untersuchungen zur Bodenhaltung mit Auslauf bei Mastkaninchen
16:30		H. von der Ahe, E. Stamer, J. Tetens, E. Kalm, G. Thaller B14 TzKi Fixe Effekte und Heritabilitäten der Embryonengewinnungsrate bei Pferden	A. Klostermann, W. Schröder, K. Stock, O. Distl C14 TzTiHo Eine genomweite Assoziationsanalyse der Widerristhöhe beim Hannoveraner Warmblut	C. Lang, S. Greißl, J. Dinges, St. Hoy D14 TzJLU Untersuchungen zum Futteraufnahmeverhalten wachsender Kaninchen
17:00				DGFZ Mitgliederversammlung
19:00	Abendveranstaltung in der Halle 400			

Programm Donnerstag, den 16.09.2010

Zeit	Session A (Hörsaal 3)	Session B (Hörsaal 2)	Session C (Hörsaal 1)	Session D (Hörsaal 4)
Moderation	Dr. D. Becker, Universität Bern	Dr. N. Neugebauer, Universität Hohenheim	PD Dr. Ch. Kühn, FBN Dummerstorf	Dr. R. Sharifi, GAG Göttingen
8:00	L.G. Zielke, R.H. Bortfeldt, G. Thaller, G.A. Brockmann A09 HU BDNF – a candidate gene effecting milk fat yield in a Holstein-Friesian population	R. Preißler, J. Tetens, K. Reinert, N. Kemper B15 TzKi Genomweite Assoziationsstudie zur Untersuchung der genetischen Variation des MMA-Syndroms bei Sauen	M. Sawitzky, J. Brenmoehl, M. Langhammer, U. Renne, A. Höflich C15 FBN Die Kontrolle grundlegender Signaltransduktionskaskaden unter Bedingungen von erhöhtem Muskel- bzw. Fettsatz während der Ontogenese der Maus	G. Daş, H. Abel, J. Humburg, A. Schwarz, S. Rautenschlein, G. Breves, M. Gauly D15 DNwGö-PsN Effects of dietary non-starch polysaccharides on Heterakis gallinarum and Ascaridia galli infections in grower layers
8:20	I. J. Giambra, G. Erhardt A10 TzJLU Molekulargenetische Charakterisierung des ovinen CSN1S2* ^C und D	M. Streit, N. Neugebauer, J. Bennewitz B16 Tz-Ho Evidence for DGAT1 by polygene interaction for milk production traits in German Holstein	H. Rudolf, N. Reinsch C16 FBN Pooling in Genexpressionsmessungen: Design von Experimenten für unverfälschte Hypothesentests	F. Kaufmann, G. Daş, B. Sohnrey, M. Gauly D16 DNwGö-PsN Prävalenz und Befallsintensität von Helminthen bei Legehennen in Freilandhaltung
8:40	M. Lisson, G. Lochnit, S. Jäger, G. Erhardt A11 TzJLU Nachweis in Epitopen in Proteinvarianten der Rindermilch	G. Martin, R. Schafberg, H. H. Swalve B17 TzHa Modellierung der Eutergesundheit auf der Basis von Daten aus Testherden	P. Schröter, H. Kuiper, M. Holsteg, C. Puff, L. Haas, M. Kasko, W. Baumgärtner, M. Ganter, O. Distl C17 TzTiHo Reproduktion der Bovinen Neonatalen Panzytopenie mittels Kolostrum- Versuch	S. Bögelein, A. Höhne, A. Harlander-Matauschek, W. Bessei D17 Tz-Ho Beziehung zwischen Federpicken und Federfressen bei unterschiedlich selektierten Legehennenlinien
9:00	S. Mömke, M. Sickinger, K. Doll, J. Rehage, O. Distl A12 TzTiHo Analyse des bovinen Motilin-Gens als Kandidat für die Labmagenvorlagerung bei Deutschen Holsteins	D. Krogmeier, J. Duda, A. Randt, K.-U. Götz B18 TzGrub Das Projekt Gesundheitsmonitoring in Bayern	C. Wurmser, I. Eikel, N. Buttcherit, H. Pausch, G. Thaller, R. Fries C18 TzTUM Bestimmung des Fettsäuremusters der Milch in Hinblick auf die Stoffwechselbelastung der frühen Laktation bei Holstein-Friesian Kühen	C. Lorenz, M. A. Grashorn D18 Tz-Ho Vergleich der Schlachtkörper- und Fleischqualität von intensiv und ökologisch erzeugten Masthühnern
9:20	S. Jung, J. Tretter, N. S. Gollnick, R. Fries A13 TzTUM Untersuchung von SLC39A4, ein Kandidateng für die hereditäre Zinkdefizienz des Rindes	K. Abfalter, H. Rohde, K. F. Stock, W. Brade, O. Distl B19 TzTiHo Systematische Effekte auf extreme Lebensleistung und Nutzungsdauer bei Deutschen Holsteins	S. Kreuzer, M. Reissmann, G.A. Brockmann C19 HU A Mutation In The Equine SLC24A5 Gene Is Associated With A Dilution Of Black Horses	S. Simonovic, M.A. Grashorn D19 Tz-Ho Auswirkung von Stromart, Frequenz und Stromstärke auf Reflexe und Reaktionen nach der elektrischen Betäubung sowie auf die Schlachtkörperqualität bei Masthühnern
9:40	J. Küpper, H. Brandt, K. Donat, G. Erhardt A14 TzJLU Genetische Untersuchungen zum Auftreten von Mycobacterium avium ssp. paratuberculosis (MAP) anhand von Kotproben bei Dt. Holstein Kühen	T. Yin, B. Bapst, H. Simianer, S. König B20 DNwGö-Tz Application of random regression models to estimate variance components in low input dairy cattle herds	C. Fromm-Dornieden, S. von der Heyde, L. Opitz, T. Beißbarth, G. Salinas-Riester, B. Brenig, B. G. Baumgärtner C20 DNwGö-Molbio Ribosome Profiling: Eine einfache und effiziente Methode zur Messung der de novo Proteinsynthese am Beispiel der Adipogenese	C. Habig, H. Kuiper, V.- S. Fischer, O. Distl D20 TzTiHo Evaluierung von Eequalitätsmerkmalen, Knochenfestigkeiten und Brustbeinstatus bei Legehennen in Kleingruppenhaltung
10:00	Kaffeepause	Kaffeepause	Kaffeepause	Kaffeepause

Programm Donnerstag, den 16.09.2010 (Fortsetzung)

Zeit	Session A (Hörsaal 3)	Session B (Hörsaal 2)	Session C (Hörsaal 1)	Session D (Hörsaal 4)
Moderation	Dr. N. Kemper, CAU Kiel	Dr. E. Murani, FBN Dummerstorf	Dr. E. Moors, GAG Göttingen	Prof. Dr. C. Schulz, CAU Kiel
10:30	T. Koch, S. Brand, S. Lakshmanan, K. Raum, M. Wicke, D. Mörlein A15 DNwGö-Prod Möglichkeiten und Grenzen von Ultraschall zur Charakterisierung des Rückenmuskels am Schwein	K.Li, R. Fries B21 TzTUM Estimation of inbreeding rate, co-ancestry and effective population size in Bavarian pig breeding populations	M. K. Nassar, Z. Sahle, G. A. Brockmann C21 HU Mapping QTLs for Growth-Related Traits in a Chicken Crossbred Population	S. Oesau, C. Schulz, G. Thaller, J. Tetens D21 TzKi Bedeutung der Individualerkennung für die Entwicklung der Zuchtwertschätzung beim Steinbutt
10:50	M. Rose, R. Sharifi, W. Wemheuer, C. Knorr A16 DNwGö-Repro Empirische Untersuchung zur Restsaisonalität bei Zuchtsauen	B. Hörning, F. Lusche B22 HS-Eb Populationsanalyse der Deutschen und Angler Sattelschweine	S. Kärst, G. A. Brockmann C22 HU QTL for Intramuscular Fat in the Musculus Longissimus in the Berlin Muscle Mouse	S. Wessels, H D'Cotta, E. Pepely, S. Poonlaphdecha, J.-F. Barroiller, G. Hörstgen-Schwark D22 DNwGö-Aq Molecular cloning and expression patterns of two candidate genes for sex determination (Wnt4, Fst) in Nile tilapia, <i>Oreochromis niloticus</i>
11:10	K. Fischer, K.P. Brüßow, H. Schlegel, U. Bergfeld, M. Wähner A17 HS-Anh Die Clusteranalyse als Hilfsmittel zur Beurteilung der Wurfgröße in Verbindung mit der Höhe embryonaler und fetaler Verluste beim Schwein	F. Köhn, C. Edel, F. Reinhardt, R. Emmerling, K.-U. Götz B23 TzGrub Vergleichende Analyse der genetischen Vielfalt deutscher Rinderrassen	J. Buitkamp, K.-U. Götz C23 TzGrub Feinkartierung der Arachnomelie beim Fleckvieh	S. Kroeckel, C. Dietz, H. Peres, S. Wuertz, C. Schulz, A. Susenbeth D23 TeKi Quantification of maintenance and growth requirements for digestible energy (DE) and feed efficiency for turbot (<i>Psetta maxima</i>) fed an excess and moderate dietary lysine
11:30	B. Hinrichs, St. Hoy A18 TzJLU Untersuchungen zur Variabilität der Freßreihenfolge von Sauen an Abrufstationen	S. Blöttner, B. Fischer, M. Wensch-Dorendorf, G. Heckenberger, H. H. Swalve B24 TzHa Der Idener Kreuzungsversuch Braunvieh x Holstein: Merkmale der Funktionalität	J. Metzger, A. Zeitz, B. Ohnesorge, K. Feige, O. Distl C24 TzTiHo Molekulargenetische Analyse der Luftsacktympnie beim Arabischen Vollblut und Deutschen Warmblut	H. Slawski, H. Adem, R.-P. Tressel, K. Wysujack, U. Koops, S. Würtz, C. Schulz D24 TzKi Rapsprotein in der Fischernährung: Austausch von Fischmehl durch Rapsproteinkonzentrat in der Ernährung von Regenbogenforellen (<i>Oncorhynchus mykiss</i> L.)
11:50	V. Krauss, S. Hoy A19 TzJLU Untersuchungen zu präferierten Liegenachbarn nach der Eingliederung von Altsauen in eine dynamische Gruppe	B. Waurich, M. Wensch-Dorendorf, H. H. Swalve B25 TzHa Varianzkomponentenschätzung für Kalbmerkmale bei unterschiedlicher Definition des Phänotyps	A. Kayan, M. J. Uddin, M. U. Cinar, K. Wimmers, S. Ponsuksili, D. Tesfaye, C. Looft, H. Juengst, E. Tholen, C. Phatsara, K. Schellander C25 ITW Effect of Interferon alpha-inducible protein 6 (IFI6) gene on drip loss in pig	J. Köbis, A. Rebl, M. Verleih, T.Korytář, B. Köllner, E. Anders, K. Wimmers, T. Goldammer D25 FBN Strukturelle und funktionelle Analyse von Genen des angeborenen Immunsystems in zwei Regenbogenforellenlinien mit different reaktivem Immunsystem
12:10	A.-L. Bohnenkamp, I.Traulsen, K. Müller, J. Krieter A20 TzKi Wachstumsentwicklung und Verhaltensunterschiede von Absatzferkeln aus der Einzel- und Gruppenabferkelung	J. Eder, R. Waßmuth, E. von Borell B26 ThHa Leistung und Fitness von Angusrindern mit unterschiedlichen Doppellender-Genotypen	H. Fan, W. Laenoi, M. U. Cinar, C. Phatsara, D. Tesfaye, E. Tholen, C. Looft, H. Jüngst, K. Schellander C26 ITW Molecular mechanism underlying the differential MYF6 expression in postnatal skeletal muscle of Duroc and Pietrain breeds	M. Verleih, A. Rebl, J. Köbis, T.Korytář, B. Köllner, E. Anders, K. Wimmers, T. Goldammer D26 FBN Vergleichende Charakterisierung von Kandidatengenen für die primäre Stressabwehr in zwei Regenbogenforellenlinien nach Temperaturveränderung
12:30	M. Dammann, H. Henne, P. Heller, M. Wähner A21 HS-Anh Einfluss eines modifiziertem Tiefgefrierverfahren auf die Qualitätskriterien und die Befruchtungsergebnisse von Ebersperma nach dem Auftauen	R. Rößler, P. Herold, A. Valle Zárate B27 TS-Ho Nutzerspezifische Zuchtziele für Braunvieh und Hinterwälder Rind in Baden-Württemberg	C. Neuhoff, M.U. Cinar, C. Große-Brinkhaus, E. Tholen, D. Tesfaye, C. Looft, K. Wimmers, S. Ponsuksili, H. Heidt, H. Jüngst, C. Phatsara, K. Schellander C27 ITW Erstellung von Expressionsprofilen 5 funktioneller Kandidatengene (CCL28, STAT5A, STAT5B, LIPE und EGF) des Erbfehlers Stülpitze beim Schwein	B. Samuel-Fitwi, S. Wuertz, J. P. Schroeder, C. Schulz D27 TzKi Life Cycle Assessment (LCA) of different trout production systems in Germany
12:50	Abschlussbesprechung			